

Laboklin GmbH & Co. KG, Max Kämpf-Platz 1 Postfach, 4002 Basel

Clinique
VÉTérinaire Délémont
Rte de Bale 153
2800 Delémont
Schweiz

Résultat d'analyses Nr.: **2307-C-17978**
Réception le: 12.07.2023
Date du résultat: 25.08.2023
Début de l'analyse: 12.07.2023
Fin de l'analyse: 02.08.2023
Statut des résultats: Résultat final

Espèce:	Hund
Race:	Border Collie
Sexe:	weiblich
Nom:	EVY DU VENT DE L'OUEST
Nr. du pedigree:	791314
Nr. de la puce:	756098800039051
Date de naissance / Âge:	01.07.2022
Nature du prélèvement:	EDTA-Blut
Date de prélèvement:	07.07.2023
Échantillonneur:	Dr. R. Wunkmann
Propriétaire de l'animal:	Fleury, Sylvianne
Numéro EDP / ID des résultats:	---

Syndrome de Imerslund-Grösbeck (IGS)- PCR

Résultat :genotype N/N

Interpretation: l'animal examine est homozygote normal. Il n'est pas porteur de la mutation responsable du syndrome d'Imerslund-Gräsbeck (malabsorption selective de cobalamine).

Mode de transmission : autosomique recessif

Une correlation entre cette mutation et cette maladie est a ce jour decrite dans les races suivantes : Border Collie.

Syndrome de séquestration des neutrophiles (TNS) - PCR

Résultat: génotype N/N

Interpretation: l' animal examine est homozygote normal. Il n'est donc pas porteur sur le gPne VPS13B de la mutation responsable du syndrome de séquestration des neutrophiles (TNS). Mode de transmission: autosomique récessif.

Une corrélation entre cette mutation et cette maladie est à ce jour décrite dans les races suivantes: Border Collie.

Céroïde-lipofuscinose neuronale (NCL) - PCR

Résultat; génotype N/N (sain)

Interpretation: le chien examine est homozygote normal. Il est donc pas porteur de la mutation responsable de la NCL sur le gène-CL5.

Mode de transmission : autosomique récessif.

Une corrélation entre cette mutation et la maladie est à ce jour décrite dans les races suivantes: Border Collie et le Bouvier australien

Glaucome et Goniodysgénésie (GG) - PCR

Résultat : génotype N/N

Interprétation: le chien examiné est homozygote normal. Il n'est donc pas porteur sur le gène OLFM3 de la mutation responsable de cette forme de glaucome (GG).

Mode de transmission: autosomique récessif.

Une corrélation entre cette mutation et la maladie est à ce jour décrite dans la race suivante: Border Collie

Mutation du gène MDR1 (sensibilité médicamenteuse) - PCR

Résultat :génotype N/N (+/+)

Interprétation:le chien examiné est homozygote normal et ne porte donc pas la mutation dans le gène MDR1 responsable d'une hypersensibilité à certains médicaments,notamment l'ivermectine et ses dérivés.Il est sain et ne transmettra pas cette mutation à sa descendance.

Sont concernées les races suivantes:Colley,Berger australien,Bobtail, Border et Bearded Collies, Berger des Shetland,Whippet à poil long, Silken Windhound,Bergers allemand et blanc suisse(liste non limitative).

Remarque : des cas isolés d' individus hétérozygotes ayant développé les symptômes de la maladie ont été rapportés

Le test génétique qui met en évidence la mutation nt230 (de14) du gène MDR1, est réalisé d'après la publication deMealey et al. (2001) "Ivermectin sensitivity in collies is associated with a deletion mutation of the mdr1 gene."

Syndrome de Raine - PCR

Résultat: génotype N/N

Interprétation: l'animal examiné est homozygote normal. Il n'est donc pas porteur sur le gène FAM20C de la mutation responsable du syndrome de Raine.

Mode de transmission: autosomique récessif.

Une corrélation entre cette mutation et cette maladie est à ce jour décrite dans les races suivantes: Border Collie.

Neuropathie sensitive (SN) - PCR

Résultat: génotype N/N

Interprétation: l' animal examiné est homozygote normal . Il n'est donc pas porteur sur le gène FAM 134B de la mutation responsable de la neuropathie sensitive.

Mode de transmission : autosomique récessif

Une corrélation entre cette mutation et la maladie est à ce jour décrite dans les races suivantes : Border collie.

Anomalie de l'oeil du Colley *

Résultat: Génotype N/N (libre)

Interprétation: Le chien examiné est sain (homozygote) pour le gène intact. Il n'est pas porteur de la mutation décrite comme responsable de l'Anomalie Oculaire du Colley (CEA/CH). Seul le gène intact sera transmis à la descendance.

Le résultat vaut seulement pour les races de Colley, Border Collie, Berger australien, Shetland, Lonhaired Whippet, Retriever de la Nouvelle-Ecosse, Lancashire Heeler et Hokkaido.

Myélopathie dégénérative - PCR

Résultats d'analyse : Génotype N/N (Exon 2)

Interprétation : L'animal est homozygote pour l'allèle type naturel. Il ne possède pas la mutation pour MD d'exon 2 du gène SOD1.

Transmission : autosomique récessive

Remarque : chez le Bouvier bernois, une seconde mutation, qui se trouve aussi sur le gène SOD 1 (exon 1), est également impliquée dans l'apparition de la myélopathie dégénérative (MD).

Ce résultat ne concerne que le prélèvement reçu et analysé par le laboratoire. Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

Le donneur d'ordre est responsable de l'authentification des données relatives à l'animal et au prélèvement. Le laboratoire est tenu à une obligation de moyens. Les dommages et intérêts sont limités au montant des prestations réalisées, et ce dans la limite légale autorisée. Le laboratoire est accrédité selon la norme DIN EN ISO/IEC 17025:2018 pour les prestations de ce rapport d'analyses. (sauf les prestations des laboratoires partenaires)

Prélèvement:

Le prélèvement issu de cet animal a été réalisé et authentifié de manière officielle par le vétérinaire suivant:

Dr. R. Wunkmann

*: Examen par le laboratoire partenaire



Frau Dr.med.vet. Maray Willen
Tierärztin

***** Fin du résultat *****

Montant net de la facture CHF 0.00
La facturation se fait séparément au cabinet.



Laboklin App